



PI 简介

黄慧琳博士，中山大学“百人计划”引进人才，现于中山大学肿瘤防治中心担任研究员，博士生导师。2012年获中山大学生物化学与分子生物学博士学位。2013年至2015年在美国西北大学、辛辛那提大学从事博士后研究，随后于美国希望之城贝克曼研究所担任助理研究教授。主要研究方向为RNA表观遗传在肿瘤中的调控、功能和干预。发表SCI论著20余篇，其中以第一或通讯(共同)作者身份在Nature、Nature Cell Biology、Cell Stem Cell、Cancer cell、Genes & Development、Cancer Communications等国际顶级期刊发表多篇高水平论文。

支持基金项目

- 1.国家自然科学基金面上项目，m⁶A读码器IGF2BP2调控TJPI可变剪接促进肝癌细胞上皮间质转化及转移，2022-2025
- 2.广东省基础应用与应用基础研究基金项目，RNA甲基化阅读器IGF2BP3调控PI3K/AKT/mTOR信号通路促进急性髓系白细胞病发生，2021-2023

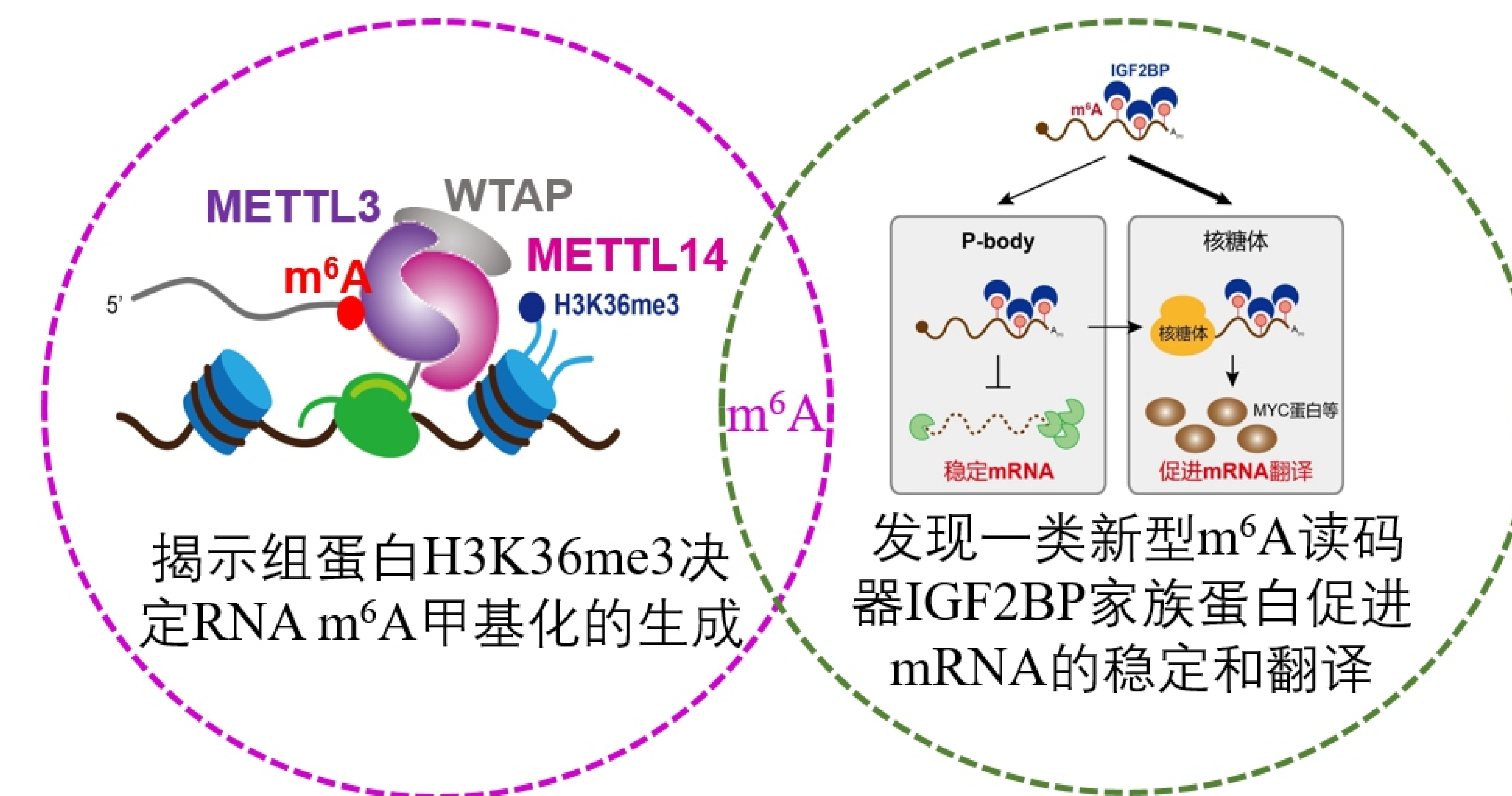
代表性文章

- 1.Dong S, Wu Y, Liu Y, Weng H*, Huang H*. N⁶-methyladenosine Steers RNA Metabolism and Regulation in Cancer. Cancer Communications.2021;7:538-559.
- 2.Huang H*, Weng H*, Chen J#. m⁶A Modification in Coding and Non-coding RNAs: Roles and Therapeutic Implications in Cancer. Cancer Cell 2020; 37: 270-288.
- 3.Huang H*, Weng H, Deng X, Chen J#. RNA Modifications in Cancer: Functions, Mechanisms, and Therapeutic Implications. Annual Review of Cancer Biology 2020; 4: 221-240.
- 4.Huang H*, Weng H*, Zhou K*, Wu T*, Zhao BS*,.....Huang G#, He C#, Yang J#, and Chen J#. Histone H3 trimethylation at lysine 36 guides m6A RNA modification co-transcriptionally. Nature 2019, 567:414-419.
Highlighted by Nature Review Genetics (2019 20:254-255), Nature Chemical Biology (2019, 15:427), Cancer Research (2019, 79:2445-2446).
- 5.Huang H*, Weng H*, Chen J#. The Biogenesis and Precise Control of RNA m6A Methylation. Trends in Genetics 2019; 36: 44-52. (IF: 11.333)
- 6.Huang H*, Weng H*, Sun W*, Qin X*, Shi H*.....He C#, Yang J#, Chen J#. Recognition of RNA N6-methyadenosine by IGF2BP proteins Enhances mRNA Stability. Nature Cell Biology 2018, 20:285-295.
Featured by Nature Cell Biology with a News & Views article (2018; 20:230-232).
- 7.Weng H*, Huang H*, Wu H*, Qin X*, Zhao BS*, Dong L*.....Wei M#,He C#, and Chen J#. METTL14 Inhibits Hematopoietic Stem/Progenitor Differentiation and Promotes Leukemogenesis via mRNA m6A Modification. Cell Stem Cell 2018, 22: 191-205.
Highlighted by Cell Stem Cell with a Preview article (2018; 22:(139-141).

研究方向

本课题组以m⁶A为代表的RNA表观修饰及其调控蛋白为研究对象，深入探讨各种重要的表观遗传修饰在肿瘤中的调控机制和生物学功能，并以RNA表观修饰及其相关蛋白为靶点开发肿瘤新疗法。

主要成果



团队风采

